

Perfil funcional das células T na fase aguda da infecção experimental de camundongos com diferentes subpopulações do *Trypanosoma cruzi*

THAYS HELENA CHAVES DUARTE (Autor), Nívea Carolina Nogueira de Paiva (Orientador), Cláudia Martins Carneiro (Co-Orientador), Paula Melo de Abreu Vieira (Co-Autor), Kátia da Silva Fonseca (Co-Autor)

Vários fatores atuam na patogênese da doença de Chagas, sendo alguns inerentes ao *Trypanosoma cruzi* e hospedeiro. Na cardiomiopatia chagásica, a alteração é resultado da destruição tecidual decorrente do processo inflamatório ativo e sustentado, associado à fibrose. Nas lesões digestivas, as consequências referem-se à alteração do SNE, relacionadas ao processo inflamatório e parasitismo, sugerindo que a patogênese da cardiomiopatia e das visceromegalias ocorra por mecanismos de interação parasito-hospedeiro distintos. Diante disso, este trabalho teve como objetivo avaliar a influência da infecção com subpopulações do *T. cruzi* com diferenças biológicas e moleculares, sobre o perfil funcional das células T no coração e cólon durante a fase aguda da doença de Chagas experimental. Para isso, 192 camundongos foram distribuídos nos grupos experimentais, não infectado (NI), infectado com a cepa Be-62 (Be-62), infectado com um isolado da cepa Be-78 (Be-78is) e infectado com a cepa Be-78 parental (Be-78) e necropsiados aos 7, 14 e 28 DAÍ (dias após infecção) e coletadas amostras de coração e cólon empregadas na determinação do perfil funcional dos linfócitos T (CD4 e CD8) em relação à síntese de IFN- γ . Os resultados demonstraram que a cepa Be-78 foi capaz de estimular, no coração e cólon, a síntese de IFN- γ tanto por linfócitos T CD4 e T CD8 ao longo de toda a fase aguda e os animais infectados com a cepa Be-62 apresentaram aumento na síntese de IFN- γ , no coração e cólon, apenas no 28ºdai. Já no grupo Be-78is, as células T foram capazes de sintetizar IFN- γ somente no cólon no 28ºdai. Estes resultados indicam que o isolado Be-78is demonstrou um comportamento intermediário entre as cepas, apresentando virulência compatível com a cepa Be-78 parental, no entanto, perfil histotrópico compartilhado com a cepa Be-62, reforçando a hipótese de que a infecção a longo prazo com a cepa Be-78 foi capaz de selecionar uma subpopulação que compartilha características com a cepa Be-62.

Instituição de Ensino: Universidade Federal de Ouro Preto